



Instituto Nacional de Higiene
“Rafael Rangel”



Resúmenes de Pósters Divulgativos Presentados en las XXXIX Jornadas Científicas “Dr. José Vicente Scorza”, 2016 del Instituto Nacional de Higiene “Rafael Rangel”

Summary of Informative Posters Presented in the XXIX Scientific Meeting “Dr. José Vicente Scorza” 2016, in the National Institute of Hygiene “Rafael Rangel”

Galaxy: Una plataforma para el análisis de datos genómicos

Fernández Salvatierra DJ, Castillo Di Giacinto CP, González Luna CD.

División de Biotecnología y Desarrollo, Gerencia de Producción y Servicios Básicos.
Instituto Nacional de Higiene “Rafael Rangel”.

La computación se ha convertido en una herramienta esencial en la investigación científica, particularmente en las ciencias de la vida. Gracias a la secuenciación masiva de ácidos nucleicos, la tasa de generación de datos genómicos está aumentando a un ritmo acelerado. Esto permite interesantes oportunidades para la investigación biomédica, pero también impone un conjunto de desafíos al momento de analizar toda esta cantidad de datos generados, por lo que cada vez son más necesarias las herramientas de análisis complejos. La División de Biotecnología y Desarrollo del INHRR cuenta con dos equipos de secuenciación masiva de ADN. Estos equipos generan una gran cantidad de datos genómicos para los cuales se requieren herramientas bioinformáticas que permitan su análisis y faciliten la interpretación de los mismos. Por este motivo damos a conocer a Galaxy, una plataforma abierta para el análisis de datos, basada en la web, que hace frente a estos desafíos, ya que permite la realización de ciencia genómica accesible, reproducible y transparente. Galaxy proporciona herramientas de análisis de datos genómicos, tutoriales, demostraciones, espacios de trabajo constante y publicaciones disponibles para cualquier científico que tenga acceso a internet.

Palabras claves: Galaxy Project, análisis genómico, secuenciación masiva.